

Mejor Set: 19) van der Vries et al. 2010. Ref. 11. doi: 10.1016/j.jcv.2009.09.030. Cui et al. 2016. Ref. 12. d

Espaciamiento directo-reverso: 59 bases

Posición: 924-946 | Identidad: 100.00% | Puntaje: 23.00

Comparación con secuencia consenso:

Consenso: GGAAAGAAATGCTGGATCTGGTA

|||||

Directo: GGAAAGAAATGCTGGATCTGGTA

Posición: 976-1004 | Identidad: 95.86% | Puntaje: 27.80

Comparación con secuencia consenso:

Consenso: TGCAATACAAC TTGTCAGACACCCGAGGG

|||||:|||||

Sonda: TGCAATACAAC TTGTCARACCCGAAGG

Posición: 1006-1027 | Identidad: 100.00% | Puntaje: 22.00

Comparación con secuencia consenso:

Consenso: GCTATAAACACCAGCCTCCCAT

|||||

Reverso: GCTATAAACACCAGCCTCCCAT

Secuencia Consenso Completa:

1 ATGAAGGCAATACTAGTAGTTCTGCTGTATACATTTACAACCGCAAATGCAGACACATTATGTATAGGTTATCATGCGAA

81 CAATTCAACAGACACTGTAGACACAGTACTAGAAAAGAATGTAACAGTAACACACTCTGTTAATCTTCTGGAAGACAAGC

161 ATAACGGAACGGAACAAC TATGCAAAC TAAGAGGGGTAGCCCCATTGCATTTGCTAATGCTACTGAGYTG GTTCAGAA YT

241 CCTCAATAGGTGGTAAATGTAACATTGCTGGCTGGATCCTTGATGGGGAAATCCAGAGTGTGAATCACTCTCCACAGCAA

321 GATCATGGTCCTACATTGTGGAAACATCTAATT CAGACAATGGAACGTGTTACCCAGGAGATTT CATCAATTATGAGGAG

401 CTAAGAGAGCAAHTGAGCTCAGTGT CATCATTTGAAAGGTTTGAAATATTTCCCAAGACAAGTT CATGGCCTAATCATGA

481 CTCGAACAAAGGTGTAACGGCAGCATGTCCAATCACGCTGGAGCCAMWCAAAACGGAACAAGTTCTKCTTGYATAAGGRR

561 ATCTARAAAAAGCTTCTACAAAAACTTGATATGGCTGGTTAAAAAAGGAAATTCATACCCAAAGCTCAACCAAACCTACA

641 TTAATGATAAAGGGAAAGAAGTCCTCGTGCTGTGGGGCATTCACCATCCACCTACTACTGCTGACCAAATCTYCCCAAAG

721 TCTCTATCAGAATGCAGATGCATATGTTTTTGTGGGGACATCAAGATACAGCAAGAAGTTCAAGTCCCGGAAATAGCAAC

801 AAGACCCAAAGTGAGGGATCAAGAAGGGAGAATGAACTATTACTGGACACTAGTAGAGCCGGGAGACAAAATAACATTG

881 AAGCAACTGGAAATCTAGTGGTACCGAGATATGCATTCACAATGGAAAGAAATGCTGGATCTGGTAATTATCATTT CAGAT

961 ACACCAGTCCACGATTGCAATACAAC TTGTCAGACACCCGAGGGTGCTATAAACACCAGCCTCCCATTT CAGAATGTACA

1041 TCCGATCACAATTGGGAAATGTCCAAAGTATGTAAAAAGCACAAAATTGAGRCTGGCCACAGGATTGAGGAATGTCCCGT

1121 CTATTCAATCTAGAGGCCTATTCGGGGCCATTGCCGGCTTCATTGAAGGGGGGTGGACAGGGGATGGTAGATGGATGGTAC

1201 GGTTATCACCATCAAAATGAGCAGGGGT CAGGATATGCAGCCGATCTGAAGAGCACACAAAATGCCATTGATAAGATTAC

1281 TAACAAAGTAAATTCTGTTATTGAAAAGATGAATACACAGTT CACAGCAGTGGGTAAAGAGTTCAACCACCTTGAAAAAA

1361 GAATAGAGAATCTAAATAAAAAAGTTGATGATGGTTTTCTGGACATTTGGACTTACAATGCCGAACTGTTGGTTCTACTG

1441 GAAAAATGAAAGAACTTTGGACTATCACGATTCAAATGTGAAGAACTTGTATGAAAAAGTAAGAAACCAGTTAAAAAACAA

1521 TGCCAAGGAAATTGGAAACGGCTGCTTTGAATTTTACCACAAATGCGATAACACATGCATGGAAAGTGTCAAGAATGGGA

1601 CTTATGACTACCCAAAATACTCAGAGGAAGCAAAATTAACAGAGAAAAAATAGATGGAGTAAAGCTGGAATCAACAAGG

1681 ATCTACCAGATTTTGGCGATCTATTCAACTGTCGCCAGTTCATTGGTACTGGTAGTCTCCCTGGGGGCAATCAGCTTCTG

1761 GATGTGCTCTAATGGGTCTCTACARTGTAGAATATGTATTTAACATTAGGATTT CAGAATCATGA